水利用効率に関わる膜輸送体の大豆オーソログの機能解析

黒森 崇*・杉本 絵理子・篠崎 一雄

理化学研究所環境資源科学研究センター機能開発研究グループ

A Soybean Ortholog of the Membrane Transporter Involved in Water Use Efficiency

Takashi KUROMORI*. Eriko SUGIMOTO and Kazuo SHINOZAKI

RIKEN, Center for Sustainable Resource Science, Gene Discovery Research Group, Saitama 351-0198

ABSTRACT

It is important to apply our understanding of plant science to address sustainable development goals (SDGs). For example, due to climate change, cultivated land will be affected, and the use of water is becoming a serious global problem. Abscisic acid (ABA) is an ordinary phytohormone, described as a stress hormone responsible for coping with various environmental stresses in plants. Under the systemic distribution of stress signals, ABA may be a mobile molecule within the plant. Recently, ABA transport systems in plants have been investigated, and several types of ABA transporters have been reported. We previously found that AtABCG25 is a membrane transporter related to ABA intercellular transport in Arabidopsis thaliana. We also observed that AtABCG25 expression enhanced wateruse efficiency in this model plant. However, the presence of AtABCG25 orthologs in different plant species has not been analyzed extensively. Here, we identified and carried out the functional characterization of an ortholog of AtABCG25 in Glycine max (soybean), viz. as GmABCG25. We tested the ABA transport activity of GmABCG25 and examined ABA-related phenotypes of GmABCG25-expressing Arabidopsis plants. Results suggest that GmABCG25 is a possible functional homolog of AtABCG25. Regulating intercellular ABA signaling using such ABA transporters may represent a novel strategy for the breeding of commercially important crops. Soy Protein Research, Japan 23, 17-21, 2020.

^{*〒351-0198} 埼玉県和光市広沢2-1

Key words: ABC transporter, abscisic acid, *Glycine max*, phytohormone, water use efficiency

アブシジン酸 (ABA) は、植物が環境ストレスを 受けた時に働くホルモンであり、植物体内で可動性シ グナル分子として働くと考えられています. 最近. 植 物内でのABA輸送において、膜輸送体が重要な調節 因子の一つであることが分かってきました¹⁾. 実際に、 ここ10年ほどで数種類の膜輸送体がABA膜輸送体と して報告されています1.2). 私たちは、実験モデル植物 のシロイヌナズナを材料として、ABA輸送に関与す る膜輸送体の一つであるAtABCG25を同定しました³⁾. AtABCG25は、ほとんどの生物種で高度に保存されて いるATP-Binding Cassette (ABC) トランスポーター ファミリーに属しています⁴⁾. ゲノムにコードされる ABCトランスポーターの数を調べると、一般に植物で は動物よりも数倍存在することが分かっており、多く のABCトランスポーターは植物固有の機能を持って いる可能性があることが示唆されています5,6).

さて、環境・エネルギー問題が全世界規模で深刻化 している状況で、例えば、地球温暖化への対策に植物 のもつ生存戦略や独自の機能を役立てることは有効な 対策の一つです。気候変動下では地球全体で耕作地な どが影響を受け、また乾燥地帯やそれに準ずる地域で は水の利用がこれまで以上に切迫します. 私たちは. 生体膜機能を活用することで、植物の個体レベルでの 水利用効率向上という新しい有用形質に着目していま す. 既に、水分蒸散に関わる植物ホルモンABAに注 目した研究において、膜輸送体AtABCG25を過剰発現 した植物個体では水利用効率が向上する結果が得られ ています⁷⁾. 大豆Glycine maxは、最も重要なマメ科穀 物の一つです。本研究では、AtABCG25に対応する大 豆の相同因子をクローニングして機能を調べました. モデル植物で得られた結果を実用植物に応用して、耐 性と生長をバランス良く制御できる技術の創生を目指 します.

方 法

Sf9昆虫培養細胞を用いたGmABCG25輸送アッセイ

人工合成したGmABCG25 ORFを、GATEWAY システムのエントリープラスミドに挿入しました (pENTR-GmABCG25). 次に、以前に記載した方法⁸⁾ で、バキュロウイルス発現システム(Invitrogen)を 使用してSpodoptera frugiperda(Sf)9細胞で発現さ せました、Sf9細胞(1×10^6 細胞/mL)に対して、同じタイターに対応するウイルスを感染させ、4%FBS(Gibco)・100ユニット/mLペニシリン・ $100 \mu g/m$ Lストレプトマイシンを含む液体培地Sf-900 III SFM(Gibco)を振とう培養器100 rpmの速度で、28 $^{\circ}$ Cで48時間培養しました、その後、細胞培養液を1,000 rpmで5分間の遠心分離によって収集し、培養液で2回洗浄し、最終濃度25 mg/mLで再懸濁しました。[3H]アブシジン酸(GE Healthcare、またはAmerican Radiolabeled Chemicals、Inc.)の放射性同位体溶液を加え、室温で16分間インキュベートしました。各サンプルから 100μ lを 0.45μ mメンブレンフィルター(Millipore)に通してろ過しました。フィルター上に残った細胞の放射性カウントを、液体シンチレーションカウンター(ALOKA)により測定しました。

シロイヌナズナ植物を用いたGmABCG25の機能解析

植物内で遺伝子を発現させるために、人工合成したGmABCG25 ORFを含むクローン(pENTR-GmABCG25)を、以前の実験 $^{3)}$ で用いた過剰発現ベクターに組込み、358:GmABCG25プラスミドを生成しました。358:GmABCG25プラスミドをアグロバクテリウムにエレクトロポレーションにより導入し、さらにフローラルディッピング法によってシロイヌナズナ形質転換植物体を作製しました。ABA感受性テストは、1% (w/v) スクロース・0.8% (w/v) 寒天と、記載されているABA濃度を含むMS培地上で種子を発芽させ、植物生育チャンバー(トミー精工)において、22℃で16時間明期/18時間暗期サイクルで生育させました。

結果と考察

大豆におけるAtABCG25のオーソログ

大豆のオーソログを選別するために、AtABCG25 (662アミノ酸、NCBI ID: NP_565030.1) と相同性が高いたん白質配列を検索しました。BLASTサーチ (NCBI) により、ABC transporter G family member 25 [Glycine max] (NCBI ID: XP_003535544.1) と登録されているたん白質配列が、最も相同性の高いものとしてヒットしました。たん白質配列のアライメントにより、AtABCG25と比較して、同一アミノ酸

が415/670 aa (62%), 機能類似アミノ酸が510/670 aa (76%) の相同性を示しました (Fig. 1). ここでは, この大豆のたん白質をGmABCG25と記述します.

ABA輸送アッセイにおけるGmABCG25の機能分析

GmABCG25とAtABCG25の機能的相同性を確認するために、先ずGmABCG25に対応した遺伝子配列をクローニングしました。次に、GmABCG25がAtABCG25と同様のABA輸送活性を有するか調べるために、Sf9昆虫培養細胞でGmABCG25を発現させました。細胞培養液にABAアイソトープを添加した後、一定時間インキュベートし、細胞のみを残すようにろ過しました。ろ過後の細胞内に残った放射性カウントを測定したところ、GmABCG25を発現したSf9昆虫細胞は、空のベクターを含む対照細胞よりも

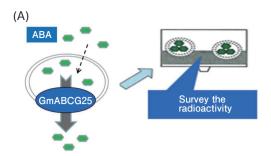
低いことが分かりました(Fig. 2). また,この減少レベルはAtABCG25を発現するSf9昆虫細胞と同程度のレベルでした.この結果は、ABA膜輸送に関してGmABCG25がAtABCG25と同様のたん白質機能を持ち、細胞内から細胞外への排出活性をもつことを示唆しています

GmABCG25を発現させたシロイヌナズナにおける ABA感受性

次に、植物内でのGmABCG25の機能を調べるために、シロイヌナズナ植物体に導入してGmABCG25の発現作用を調べました。以前に、AtABCG25をシロイヌナズナで過剰発現させた際、培地に加えたABAに対して有意に非感受性を示し、排出活性をもつABA輸送体であるという結果をサポートしました³¹.こ

```
AtABCG25 2
                    SAFDGVENQMNGPDSS--PRLSQDPREPRSLLSSSCFPITLKFVDVCYRVKIHGMSNDSC
                    + F GVE
                             NG S+ P Q+ R+
                                                   LS S +PITLKF+DV YR+KI
                    AVFGGVETP-NGDSSNTKPHPKQESRDLSPFLSCS-YPITLKFIDVAYRLKIEDKOKNGG
GmABCG25 10
              60
                   NIKKLLGLKQK-PSDE---TRSTEERTILSGVTGMISPGEFMAVLGPSGSGKSTLLNAVA
                    +IK+
                               PSD+
                                         +++ERTIL GVTG+ PGE +AVLGPSGSGKSTLLNA+A
                    SIKRFFTPHESSPSDQGSRAGASQERTILKGVTGIAHPGEILAVLGPSGSGKSTLLNALA
              68
                                                                                     127
                   GRLHGSNLTGKILINDGKITKQTLKRTGFVAQDDLLYPHLTVRETLVFVALLRLPRSLTR
GRLHG LTG IL N K+TK L+RTGFV ODD+LYPHLTVRETLVF A+LRLPR+L R
              116
                   GRLHGHGLTGTILANSSKLTKPVLRRTGFVTQDDILYPHLTVRETLVFCAMLRLPRTLPR
                                                                                     187
              128
                   DVKLRAAESVISELGLTKCENTVVGNTFIRGISGGERKRVSIAHELLINPSLLVLDEPTS
                                                                                     235
              176
                      K+ AE+ I+ELGL KCE+T++GN+FIRG+SGGERKRVSIAHE+L++PSLL+LDEPTS
                    AAKIAVAEAAIAELGLGKCEDTIIGNSFIRGVSGGERKRVSIAHEMLVDPSLLILDEPTS
              188
                                                                                     247
                   GLDATAALRLVQTLAGLAHGKGKTVVTSIHQPSSRVFQMFDTVLLLSEGKCLFVGKGRDA
              236
                                                                                     295
                    GLD+TAA RLV TL LA KGKTV+TS+HQPSSRV+QMFD VL+LSEG+CL+ GKG DA
                   GLDSTAAHRLVVTLGSLAK-KGKTVITSVHQPSSRVYQMFDKVLVLSEGQCLYFGKGSDA
              248
                                                                                     306
              296
                   MAYFESVGFSPAFPMNPADFLLDLANGVCQTDGVTEREKPNVRQTLVTAYDTLLAPQV-K
                                                                                     354
                    M YF+SVGF+P+FPMNPADFLLDLANGVC DG +E+++PN++Q L+ +Y+T+L P+V
                   MRYFQSVGFAPSFPMNPADFLLDLANGVCHVDGQSEKDRPNIKQNLIHSYNTILGPKVTA
              307
                                                                                     366
              355
                   TCIEVSHFPQDNARFVKTRVNGG---GITTCIATWFSQLCILLHRLLKERRHESFDLLRI
                   C++ ++ P N +++ + WF Q ILL R LKER+HESF+ LR+
ACMDSTNVPSRNTHPLRSNSSKEFRRNDRVSFFDWFYQFRILLQRSLKERKHESFNTLRV
              367
                                                                                     426
              412
                   FOVVAASILCGLMWWHSDYRDVHDRLGLLFFISIFWGVLPSFNAVFTFPQERAIFTRERA
                                                                                     471
                     QV+AA++L GLMWWHSDYR++ DRLGLLFFISIFWGV PSFN+VF FPQERAIF +ERA
                   COVIAAALLAGLMWWHSDYRNIODRLGLLFFISIFWGVFPSFNSVFAFPOERAIFMKERA
              427
                                                                                     486
                   {\sf SGMYTLSSYFMAHVLGSLSMELVLPASFLTFTYWMVYLRPGIVPFLLTLSVLLLYVLASQ}
              472
                                                                                     531
                    SGMYTLSSYFMA ++G L MEL+LP FL
                                                    TYWM L+P +
                                                                 FLLTL V+L YV+ SO
                   SGMYTLSSYFMARIVGDLPMELILPTIFLIVTYWMGGLKPDLWAFLLTLLVVLGYVMVSÖ
              487
                                                                                     546
                   GLGLALGAAIMDAKKASTIVTVTMLAFVLTGGYYVNKVPSGMVWMKYVSTTFYCYRLLVA
              532
                                                                                     591
                    GLGLALGAAIMDAK+AST+ VTMLAFVLTGGYYV+KVPS M W+KY+STTFYCYRLL
                   GLGLALGAAIMDAKQASTVAAVTMLAFVLTGGYYVHKVPSCMAWIKYISTTFYCYRLLTR
              547
                                                                                     606
              592
                    IQYGSGEEILRMLGCDSKGKQGASAATSAGCRFVEEEVIGDVGMWTSVGVLFLMFFGYRV
                                                                                     651
                    IQY G++I +LGC + K
                                                  GC FVEE+V+G +G
                                                                     +GVL
                                                                          ME
                    IQYEDGKKISYLLGCYQRDK------GGCSFVEEDVVGQIGTLGCIGVLLFMFVFYRL
              607
                                                                                     658
                    LAYLALRRIK
              652
                    LAYLALRRIK
                                668
              659
                   LAYLALRRIK
```

Fig. 1. Protein sequence alignment of AtABCG25 and GmABCG25. A result of the BLAST search is shown. The upper sequence is from AtABCG25, the bottom sequence is from GmABCG25, and middle sequence is conserved and similar amino acids.



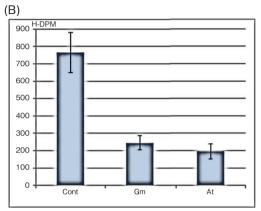


Fig. 2. Transport assay of ABA efflux activity in *GmABCG25*-expressing Sf9 culture cells. (A) The transport assay is illustrated. *GmABCG25* was expressed in Sf9 cells using a baculovirus expression system. Isotope solution of [3H] abscisic acid was added, and cells were filtrated. The radioactivity was counted by a liquid scintillation counter. (B) ABA efflux activity was measured in Sf9 culture cells containing *GmABCG25* vector (Gm), *AtABCG25* vector (At), and empty vector (Cont) after 16 minutes incubation with isotopelabeled ABA. Each bar represents the mean ± SD (n = 4). H-DPM, 3H-disintegrations per minute.

こでは、先ず35S: GmABCG25ベクターを有する形質転換シロイヌナズナ植物を作製しました。そして、ABA応答性をテストするために、2つの独立した形質転換系統について、発芽後のABA感受性を確認しました。その結果、GmABCG25を導入した形質転換系統では、ABA感受性が大幅に減少しました(Fig. 3)、以上の結果から、大豆のGmABCG25はシロイヌナズナのAtABCG25と同様の、植物内での生理的機能をもつことが示唆されました。

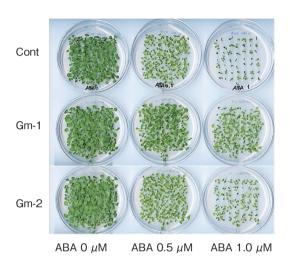


Fig. 3. Post-germinative growth of GmABCG25-expressing Arabidopsis plants under ABA treatment. Seedlings of controls (Cont) and two transgenic lines (Gm-1 and Gm-2) bearing the 35S :: GmABCG25 transgene were grown for 14 days in ABA concentrations (0, 0.5, and $1.0 \,\mu\text{M}$).

要 約

食糧として豆類の中で最も重要な大豆の生産を維持するために、植物科学の知見を利用し役立てることは有力な手法の一つです。例えば、気候変動下では耕作地が影響を受け、また乾燥地帯では水の利用がこれまで以上に切実な問題となっています。本研究では、生体膜機能を活用することで、植物に個体レベルでの水利用効率向上という新しい有用形質を付与し、地球環境変動下においても作物の生産を安定維持することを目的としています。これまでもストレス耐性のような有用形質を付与する試みが行われてきましたが、植物体の生育そのものが阻害されてしまう副作用が起こることが多く、耐性と生長のバランスが問題となっていました。本研究では、植物個体として水利用効率を高めることを指標に、生長と反応のバランスを重視することで問題の解決を目指します。特に、膜輸送体に注目することで、これまでモデル植物で得られている結果を活用します。具体的には、モデル植物において気孔開閉を制御する植物ホルモンの膜輸送体を植物に導入することで、植物体の水利用効率が向上する結果が得られています。この成果を利用して、まず大豆のオーソログに相当する遺伝子をクローニングしました。次に、この大豆オーソログ因子が、モデル植物と同様のホルモン輸送活性をもつことを確かめました。さらに、モデル植物へ導入することで植物体への効果について調べ、植物体内での機能についても相同性があることが分かりました。生体内での活性物質の輸送を調節して、耐性と生長をバランス良く制御できる技術の創生を目指しています。

文 献

- Kuromori T, Seo M and Shinozaki K (2018): ABA Transport and Plant Water Stress Responses. Trends Plant Sci, 23, 513-522.
- Boursiac Y, Leran S, Corratge-Faillie C, Gojon A, Krouk G and Lacombe B (2013): ABA transport and transporters. *Trends Plant Sci*, 18, 325-333.
- Kuromori T, Miyaji T, Yabuuchi H, Shimizu H, Sugimoto E, Kamiya A, Moriyama Y and Shinozaki K (2010): ABC transporter AtABCG25 is involved in abscisic acid transport and responses. *Proc Natl Acad Sci U S A*, 107, 2361-2366.
- Sánchez-Fernández R, Davies TG, Coleman JO and Rea PA (2001): The Arabidopsis thaliana ABC protein superfamily, a complete inventory. J Biol Chem, 276, 30231-30244.

- 5) Hwang JU, Song WY, Hong D, Ko D, Yamaoka Y, Jang S, Yim S, Lee E, Khare D, Kim K, Palmgren M, Yoon HS, Martinoia E and Lee Y (2016): Plant ABC transporters enable many unique aspects of a terrestrial plant's lifestyle. *Mol Plant*, 9, 338-355.
- Do THT, Martinoia E and Lee Y (2018): Functions of ABC transporters in plant growth and development, Curr Opin Plant Biol, 41, 32-38.
- 7) Kuromori T, Fujita M, Urano K, Tanabata T, Sugimoto E and Shinozaki K (2016): Overexpression of AtABCG25 enhances the abscisic acid signal in guard cells and improves plant water use efficiency. *Plant Sci*, 251, 75-81.
- Kuromori T, Sugimoto E and Shinozaki K (2014): Intertissue signal transfer of abscisic acid from vascular cells to guard cells. *Plant Physiol*, 164, 1587-1592.